



MINISTÉRIO DA EDUCAÇÃO
UNIVERSIDADE FEDERAL DE GOIÁS
INSTITUTO DE CIÊNCIAS BIOLÓGICAS
PROGRAMA DE PÓS-GRADUAÇÃO EM GENÉTICA E BIOLOGIA
MOLECULAR - PGBM



PROCESSO SELETIVO Edital 02/2016
AVALIAÇÃO DE LÍNGUA INGLESA

INSTRUÇÕES (LEIA ATENTAMENTE)

- **Preencha corretamente o item de identificação do(a) candidato(a);**
- **A prova de inglês será composta de 01 questão e o candidato deverá traduzir essa questão.**
- **Responda a questão em sua folha específica de resposta e identifique as folhas adicionais apenas com o número da respectiva questão;**
- **Questões respondidas em outras folhas (não na folha específica e folha adicional), não identificadas, não serão consideradas para efeito de correção;**
- **A prova terá duração máxima de três horas, a partir da autorização para o seu início.**
- **Ao término da prova, numerar todas as folhas, usadas ou não (1/n até n/n)**

IDENTIFICAÇÃO DO (A) CANDIDATO(A)

Nome completo:			Uso PGBM
.....			
Identidade:	Órgão Emissor:	UF:	
Uso PGBM			
Nota parcial			Coordenação PGBM (visto)
1. _____			
NOTAL FINAL: _____ (_____)			

Nome do professor: _____	Identificação: /	Nota: (de 0 a 10)
Assinatura: _____		

Traduza o texto a seguir (pode ignorar as citações em formato de número (e.g., (1-3)), extraído de Green *et al.* (Science, 328: 710-722, 2010).

A Draft Sequence of the Neandertal Genome

The morphological features typical of Neandertals first appear in the European fossil record about 400,000 years ago (1-3). Progressively more distinctive Neandertal forms subsequently evolved until Neandertals disappeared from the fossil record about 30,000 years ago (4). During the later part of their history, Neandertals lived in Europe and Western Asia as far east as Southern Siberia (5) and as far south as the Middle East. During that time, Neandertals presumably came into contact with anatomically modern humans in the Middle East from at least 80,000 years ago (6, 7) and subsequently in Europe and Asia.

Neandertals are the sister group of all present-day humans. Thus, comparisons of the human genome to the genomes of Neandertals and apes allow features that set fully anatomically modern humans apart from other hominin forms to be identified. In particular, a Neandertal genome sequence provides a catalog of changes that have become fixed or have risen to high frequency in modern humans during the last few hundred thousand years and should be informative for identifying genes affected by positive selection since humans diverged from Neandertals.

Substantial controversy surrounds the question of whether Neandertals interbred with anatomically modern humans. Morphological features of present-day humans and early anatomically modern human fossils have been interpreted as evidence both for (8, 9) and against (10, 11) genetic exchange between Neandertals and the presumed ancestors of present-day Europeans.

Nome do professor: _____ Assinatura: _____	Identificação: /	Nota: (de 0 a 10)
--	-------------------------	-------------------

--